

- **Rattachement** : UB1, UB2, IPB, CNRS, INRA, INSERM, CHU, CLCC
- **Équipe** :
 - **Prestations de services** (1 PR, 2 MC, 1 IR, 2 IE, 2 TR)
M. BONNEU (Pr) S. CLAVEROL (IR) MS R. JULLIEN (IE CDD IBISA) BioInfo
M. PERROT (MC) J. W. DUPUY (IE CDD) MS D. LAPAILLERIE (TR) 2D
S. VILAIN (MC) A. M. LOMENECH (TR) MS
 - **Recherche** (1 PR, 3 IR, 1 IE) + 5 doct.
J. M. SCHMITTER (Pr) S. CHAIGNEPAIN (IR) L. NEGRONI (IR)
C. BURE (IR) K. BATHANY (IE)
 - **Certification** :
 - mise en place d'un système qualité ISO9001:2008
 - Audit externe décembre 2009, certification prévue en 2010
- **Facturation** :
 - Collaboration : prix du fonctionnement
 - Service : + frais (salaires, amortissement, fluides...)
- **Mode d'accès** :
Ouverture à l'ensemble de la communauté scientifique et industrielle

- **Technologies employées :**
 - Séparation des protéines/peptides
IPG/SDS-PAGE, BN/SDS-PAGE, 16BAC/SDS-PAGE, Rotofor, Offgel
 - Analyse d'image
 - Identification des protéines
LC-MALDI, MALDI-TOF/TOF, NanoLC-LCQ-IT, NanoLC-LTQ-Orbitrap
NanoLC-Q-TOF, MALDI-Q-TOF
 - Quantification iTRAQ – Label free
 - Recherche de phosphorylations ETD
 - Détermination de masse globale
 - Serveurs ProteinScape, Mascot, Phenix, Modiro, Sequest
- **Spécificités : interactions protéines-protéines**
 - Passé : Double hybrides - Tap Tag
 - Aujourd'hui : BN/SDS-PAGE et échange H/D
 - Demain : Technologie PIR (en cours)