



Université
de Toulouse



Centre de Proteomique Toulouse Midi-Pyrénées

Odile Schiltz - Bernard Monsarrat

Institut de Pharmacologie et de Biologie Structurale (IPBS)
Toulouse, UMR CNRS 5089



<http://proteomique.ipbs.fr>





Protéomique Toulouse Midi-Pyrénées



Site Partenaire
INSERM

IFR 150
IFR BMT

CHR Purpan

ICR C. Regaud

CHR Rangueil

Site Principal

IPBS/CNRS





PROTEOMICS AND MASS SPECTROMETRY OF BIOMOLECULES



Odile SCHILTZ and Bernard MONSARRAT

Site Principal : IPBS CNRS

Chercheurs:

François Amalric (Université)

Marie-Pierre Bousquet (Université)

Bernard Monsarrat (CNRS)

Anne Gonzalez de Peredo (CNRS)

Odile Schiltz (CNRS)

Sandrine Uttenweiler (CNRS)

Post-doctorants:

Chrystelle Lacroix (2008-2010)

Anne-Aurélié Raymond (2008-2010)

Nicolas Delcourt (2009-2011)

Etudiants en thèse:

David Bouyssié (3rd year)

Violette Gauthier (2nd year)

Bertrand Fabre (1st year)

Ingénieurs Biochimie Spectrométrie de Masse:

Florence Dalvai (CNRS)

Carine Froment (CNRS)

Alexandre Stella (CNRS)

Carole Pichereaux (CNRS, IFR 40)

Michel Rossignol (CNRS, IFR 40)

Non-permanent (CDD)

Karima Chaoui (P. Fabre, FRM, 2006-2010)

Marlène Marcellin (GSO, 2009-2011)

Ingénieurs en bioinformatique:

Renaud Albigot (CNRS) - Quality Manager

David Bouyssié (CNRS)

Emmanuelle Mouton (Université)

Stéphanie Bolot , *Non-permanent CDD*

Site Partenaire : IFR 150 BMT – INSERM : Frédéric Lopez

Sabrina Marsili (ICR)

Frédéric Pont IR INSERM

Benjamin Breuil AI –*Non-permanent CDD*

Nathalie St Laurent IE INSERM

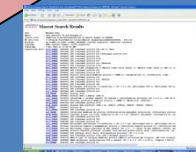
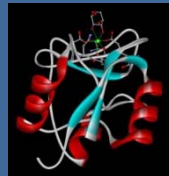
Proteomics Toulouse Midi-Pyrénées

From proteins
Orbitrap Velos ETD

to function

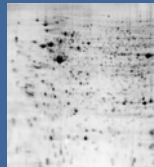


<http://proteomique.ipbs.fr>



Bioinformatics
LIMS-ePIMS
Ingenuity
Mascot
In-house software

2D Gel
Electrophoresis



Biomolecular
Interactions
Biacore 3000,



Scanners
Typhoon



Quantitative
Proteomics
ABI Q-STAR



Robotization
Packard Multiprobe II



Targeted Proteomics
ABI Q-TRAP 5500



Peptide Mass Fingerprinting
ABI MALDI Tof-Tof



Posttranslational Modifications

Peptide Sequencing
Protein Characterization
ThermoFisher Orbitrap XL, Velos ETD





Protéomique Toulouse Midi-Pyrénées

Recherche et Développement

- ✓ Identification de complexes Protéiques
- ✓ Analyse de Modifications Post-Traductionnelles et de sous protéomes
- ✓ Mélanges complexes et caractérisation de protéines de faible abondance
- ✓ Protéomique quantitative et bioinformatique

